

غربالگری ژنوتیپ‌های نخود (*Cicer arietinum* L.) برای تحمل به شوری در مرحله ابتدای رشد رویشی

نرگس صفائی قلعه زو،^۱ محمد کافی^۲، احمد نظامی^۳، جعفر نباتی^۴

۱- دانشجوی کارشناسی ارشد، فیزیولوژی گیاهان زراعی، گروه آگروتکنولوژی، دانشکده کشاورزی دانشگاه فردوسی مشهد

ایمیل: narges.safaei@mail.um.ac.ir تلفن همراه: ۰۹۱۵۸۹۳۶۰۵۴

۲- استاد، فیزیولوژی گیاهان زراعی، تنش‌های محیطی، مشهد- دانشگاه فردوسی- گروه آگروتکنولوژی، دانشکده کشاورزی دانشگاه فردوسی مشهد

ایمیل: m.kafi@um.ac.ir شناسه: ۰۰۰۰۰۰۲۰۹۳۳۱۳۴۶ تلفن همراه: ۰۹۱۵۳۰۶۶۲۶۹

۳- استاد، فیزیولوژی گیاهان زراعی، تنش‌های محیطی، گروه آگروتکنولوژی، دانشکده کشاورزی دانشگاه فردوسی مشهد

ایمیل: nezami@um.ac.ir شناسه: ۰۰۰۰۰۰۱۹۴۹۰۶۹۳۵ تلفن همراه: ۰۹۱۵۳۱۶۳۳۴۸

۴- استادیار، تنش‌های محیطی در حبوبات، گروه پژوهشی حبوبات پژوهشکده علوم گیاهی - دانشگاه فردوسی مشهد

ایمیل: شناسه: ۰۰۰۰۰۰۰۳۰۴۸۳۷۰۰۳ [Jafar Nabati@um.ac.ir](mailto:Jafar_Nabati@um.ac.ir) تلفن همراه: ۰۹۱۵۶۴۵۸۱۰۹

چکیده

به منظور شناسایی و ارزیابی ژنوتیپ‌های متحمل به شوری، ۲۰۶ ژنوتیپ نخود در قالب طرح بلوک کامل تصادفی با سه تکرار در گلخانه تحقیقاتی دانشگاه فردوسی مشهد در شرایط هیدروپونیک، در مرحله گیاهچه‌ای در معرض تنش شوری ۱۲ دسی زیمنس بر متر کلرید سدیم قرار گرفتند. نتایج نشان داد که ۳۱ ژنوتیپ، از بقای بین ۷۶-۱۰۰ درصد برخوردار بودند و از بین آن‌ها ۱۰ ژنوتیپ میزان بقاء ۱۰۰ درصد داشتند. در اثر تنش شوری با کاهش میزان بقاء، ارتفاع بوته، تعداد شاخه فرعی در بوته و زیست‌توده کاهش یافت. میانگین غلظت سدیم اندام‌های هوایی گیاه فقط در دامنه بقاء ۲۶-۵۰ درصد نسبت به سایر دامنه‌های بقاء افزایش نشان داد. میزان بقاء با تعداد شاخه فرعی، ارتفاع بوته، اختلاف ارتفاع بوته قبل و بعد از تنش، زیست‌توده و غلظت پتاسیم در گیاه همبستگی مثبت و معنی‌داری نشان داد. بر اساس نتایج تجزیه عامل‌ها، سه عامل در مجموع ۷۵ درصد از تغییرات موجود در کل داده‌ها توجیه کردند. عامل اول و دوم که بیشترین تغییرات واریانس داده‌ها را توجیه کردند، شامل میزان بقاء، تعداد شاخه فرعی در بوته، ارتفاع بوته، اختلاف ارتفاع بوته قبل و بعد از تنش، زیست‌توده و غلظت سدیم در بوته بودند. ژنوتیپ‌های MCC1782، MCC1977، MCC1703، MCC1568، MCC1573، MCC1737، MCC1209، MCC1516، MCC1493، MCC1832، MCC1957، MCC1721

MCC2016, MCC1704, MCC1641, MCC1815, MCC1775, MCC178, MCC1754, MCC1627, MCC1716, MCC1918, MCC1827، به‌عنوان ژنوتیپ‌های متحمل‌تر انتخاب شدند. ژنوتیپ‌های موردبررسی در چهار گروه، دسته‌بندی شدند که گروه سوم و چهارم از نظر بقاء، زیست‌توده، ارتفاع بوته میانگین بالاتری را در میان سایر گروه‌ها داشتند و می‌توان از آن‌ها در برنامه‌های اصلاحی برای تحمل به شوری استفاده کرد.

واژه‌های کلیدی: بقاء؛ تجزیه خوشه‌ای؛ تجزیه عامل‌ها؛ زیست‌توده؛ سدیم

مقدمه

حبوبات سهم بالایی در تولید و درآمد در بوم نظام‌های کشاورزی معیشتی دارند. دانه این گیاهان دارای درصد بالایی از پروتئین است که تقریباً ۱۵ درصد از پروتئین مورد نیاز مردم دنیا از این گیاهان تهیه می‌شود (Tsehaye et al., 2020). نخود (*Cicer arietinum* L.) یک گیاه زراعی است که در شرایط آب و هوایی خشک و نیمه‌خشک کشت می‌شود (Gautam et al., 2021). علاوه بر این، زراعت نخود به دلیل داشتن ارزش غذایی و توانایی طبیعی تثبیت نیتروژن اتمسفر دارای اهمیت فراوان برای باروری خاک است (Kaashyap et al., 2018). باوجود تحمل نسبتاً بالای نخود به خشکی، این گیاه به شوری حساس است (Kotula et al., 2019).

شوری یکی از تنش‌های محیطی است که تأثیر منفی بر رشد و نمو گیاهان دارد. مناطق وسیعی از زمین‌های زیر کشت در سراسر دنیا تحت تأثیر تنش شوری قرار دارد (Moustafa et al., 2021). هر ساله به‌ویژه در مناطق خشک به دلیل بارش کم، تبخیر زیاد، زهکشی ضعیف و روش‌های آبیاری نامناسب، سطح زمین‌های شور جهان گسترش می‌یابد (Moustafa et al., 2021). تنش شوری مشکلاتی مانند کاهش جوانه‌زنی بذر، کاهش رشد و عملکرد محصولات زراعی را به همراه دارد (Aslam et al., 2018). حساسیت نخود در مراحل مختلف رشد به شوری متفاوت است و در مرحله زایشی حساس‌تر به تنش شوری است. زمانی که نخود در معرض تنش شوری قرار می‌گیرد، در ابتدا ریشه گیاه مورد آسیب قرار می‌گیرد (Kaashyap et al., 2022) و با افزایش غلظت نمک در اطراف ریشه پتانسیل آب اطراف ریشه کاهش می‌یابد که این امر سبب جلوگیری از جذب آب شده و در نتیجه سبب ایجاد تنش اسمزی در گیاه می‌شود (Mushtaq et al., 2022). تنش شوری سبب ریزش گل و غلاف در گیاه نخود شده و در نتیجه عملکرد گیاه را کاهش می‌دهد (Soren et al., 2020).

واکنش گیاه به تنش شوری در طی دو مرحله انجام می‌شود (Arzani and Ashraf, 2016; Munns and Tester, 2008): مرحله اول فاز اسمزی است که واکنشی است که بلافاصله توسط گیاه تحت تأثیر شوری ظاهر می‌شود. تنش اسمزی، جذب آب توسط گیاه را دچار مشکل نموده و بر رشد و نمو گیاه تأثیر منفی دارد. مرحله دوم تأثیر شوری در گیاه موقعی آشکار می‌شود که غلظت بالایی از یون‌های سمی سدیم (Na^+) و کلر (Cl^-) در گیاه تجمع یافته باشد. از آنجائیکه کلرید سدیم جزء اصلی خاک شور می‌باشد، یون‌های

سدیم و کلر به مقدار زیادی در گیاه تجمع می‌یابد که موجب سمیت می‌شود، به طوری که فرآیندهای متابولیکی اساسی گیاه از جمله فتوسنتز و تنفس را تحت تأثیر قرار می‌دهد. اختلال در جذب مواد غذایی و تنش اکسیداتیو به عنوان تنش‌های ثانویه شوری مطرح می‌باشند (Arzani, 2008).

زمانی که نخود تحت تأثیر تنش شوری قرار می‌گیرد، به دنبال آن تنش‌های ثانویه مانند تنش اکسیداتیو نیز در گیاه ایجاد می‌شود. تنش اکسیداتیو سبب بروز رادیکال‌های آزاد شده و این رادیکال‌های آزاد سبب اکسید شدن پروتئین‌ها و لیپیدها و در نهایت منجر به نابودی سلول می‌شود (Nasiri et al., 2021). گزارش شده است که در نخود تحت تنش شوری، نرخ رشد محصول تا ۲۰ درصد و ارتفاع گیاه تا ۱۵ درصد و زیست‌توده کل گیاه تا ۲۸ درصد کاهش می‌یابد (Lavrenko et al., 2019). در نخود سازوکارهای فیزیولوژیک متفاوتی برای تحمل در برابر تنش شوری مانند افزایش میزان کربوهیدرات‌های محلول و اسیدآمینو پرولین در اندام‌های هوایی وجود دارد (Nasiri et al., 2021). نتایج کومار و همکاران حاکی از این است که در ژنوتیپ‌های متحمل به شوری نخود، غلظت سدیم تجمع یافته در اندام هوایی گیاه به‌طور معنی‌داری از ژنوتیپ‌های حساس کمتر است (Kumar et al., 2021). تنش شوری باعث کاهش شاخص پایداری غشاء، سطح سبز برگ، درصد ماده خشک ریشه و اندام هوایی، ارتفاع بوته، تعداد شاخه جانبی و وزن خشک اندام هوایی و ریشه در ژنوتیپ‌های نخود شد (Zare Mehrjardi et al., 2011). بقاء گیاه نخود در شرایط شور ارتباط مستقیمی با حفظ برگ‌های گیاه داشت که این امر وابسته به حفظ پایداری غشاء و کاهش ورود سدیم به داخل گیاه است (Nabati et al., 2021). باوجود این که نخود به شوری حساس است، اما در میان ژنوتیپ‌های آن تنوع در تحمل به شوری وجود دارد (Kumar et al., 2021)؛ بنابراین می‌توان از این تنوع در گزینش ارقام متحمل به شوری استفاده کرد. در این راستا به منظور شناسایی ژنوتیپ‌های متحمل به شوری بانک بذر حبوبات پژوهشکده علوم گیاهی دانشگاه فردوسی مشهد و معرفی آنها برای برنامه‌های اصلاحی آینده، تحمل به شوری ۲۱۵ ژنوتیپ نخود کابلی در شرایط کنترل شده مورد ارزیابی قرار گرفت.

مواد و روش‌ها

این آزمایش در شرایط آب‌کشت (هیدروپونیک) در گلخانه تحقیقاتی دانشکده کشاورزی، دانشگاه فردوسی مشهد، در سال ۱۴۰۰ انجام شد. تعداد ۲۰۶ ژنوتیپ نخود با استفاده طرح بلوک کامل تصادفی با سه تکرار در تنش شوری ۱۲ دسی زیمنس بر متر کلرید سدیم (NaCl) مورد مطالعه قرار گرفتند (Nabati et al., 2021). بذرها از بانک بذر حبوبات پژوهشکده علوم گیاهی دانشگاه فردوسی مشهد تهیه شد.

بستر مورد استفاده در این آزمایش ماسه بود و تغذیه از طریق محلول غذایی هوگلند (Hoagland and Arnon., 1950) انجام شد. سیستم تغذیه در این مطالعه سیستم بسته بود و محلول غذایی در بستر به‌طور متناوب گردش می‌کرد و هر هفته با تعویض محلول

هوگلند بر اساس سطح شوری موردنظر تنظیم می‌شد. با توجه به این که محلول هوگلند به واسطه دارا بودن عناصر غذایی، حدود دو دسی زیمنس بر متر هدایت الکتریکی ایجاد می‌کند، در نتیجه مجموع هدایت الکتریکی محلول غذایی و تیمار شوری، ۱۴ دسی زیمنس بر متر بود. ابتدا بذرها در آزمایشگاه جوانه‌دار گردید، سپس در اردیبهشت‌ماه به محیط هیدروپونیک در گلخانه منتقل شدند. دمای روز و شب گلخانه، به ترتیب ۲۵ و ۱۸ درجه سانتی‌گراد و با دامنه تغییر ± 5 درجه سانتی‌گراد بود. سیستم کشت هیدروپونیک در این پژوهش شامل جعبه‌های پلاستیکی با ابعاد 40×60 سانتی‌متری بود و در هر جعبه شش ژنوتیپ کشت شد. در هر جعبه از ۶۰ بذر استفاده شد و از هر ژنوتیپ و تکرار ۱۰ بذر جوانه‌دار شده به فاصله پنج سانتی‌متر در ماسه کشت شد. یک هفته بعد از انتقال گیاهچه‌ها به گلخانه، تنش شوری به مدت چهار هفته اعمال شد.

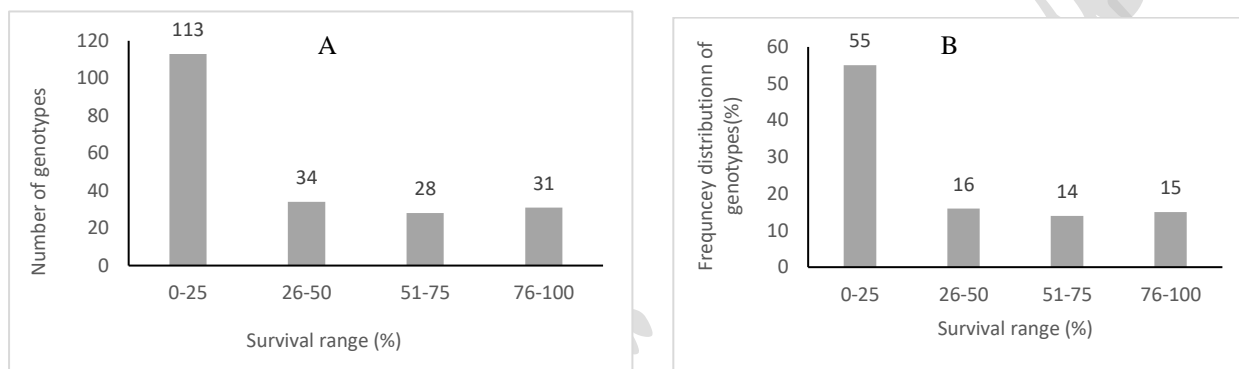
قبل از اعمال تنش شوری، ارتفاع بوته ثبت گردید و چهار هفته بعد از اعمال تنش شوری، ارتفاع بوته، اختلاف ارتفاع بوته قبل و بعد از تنش شوری، تعداد شاخه در بوته، میزان بقای بوته و محتوای سدیم و پتاسیم اندام هوایی گیاه اندازه‌گیری شد. برای محاسبه میزان بقاء، تعداد بوته‌های استقرار یافته قبل از اعمال تنش شوری ثبت شده و پیش از برداشت نیز تعداد بوته‌های زنده ثبت شد و میزان بقاء محاسبه گردید. بر اساس بقاء، ژنوتیپ‌ها به چهار گروه ۱۰۰-۷۶، ۷۵-۵۱، ۵۰-۲۶ و ۲۵-۰ درصد بقاء طبقه‌بندی شدند.

در انتها بوته‌ها برداشت و وزن خشک آن‌ها پس از ۴۸ ساعت قرارگیری در آون در دمای ۷۵ درجه سانتی‌گراد ثبت شد. برای اندازه‌گیری سدیم و پتاسیم اندام های هوایی، از ۲۵۰ میلی‌گرم نمونه خشک آسیاب شده استفاده شد. نمونه‌ها به مدت ۲۴ ساعت در اسید نیتریک غلیظ هضم گردید و به مدت یک ساعت در دمای ۸۰ درجه سانتی‌گراد قرار گرفت. در نهایت پس از صاف کردن و به حجم رساندن، میزان سدیم و پتاسیم با دستگاه فلیم‌فتومتر (UK-Jenway) و محلول‌های استاندارد تعیین شد (Tandon, 1995). تجزیه و تحلیل آماری داده‌ها با نرم‌افزار Minitab 17 و خطای استاندارد و تجزیه خوشه‌ای (بر اساس روش ward) با استفاده از نرم‌افزار JMP 4 انجام شد. برای تجزیه به مؤلفه‌های اصلی از نرم‌افزار STATISTICA8 استفاده شد. برای تایید صحت گروه‌بندی از تجزیه واریانس چند متغیره و تجزیه تابع تشخیص از نرم‌افزار SPSS27 استفاده شد.

نتایج و بحث

چهار هفته بعد از اعمال تنش شوری، تفاوت معنی‌داری میان ژنوتیپ‌های نخود از نظر میزان بقاء وجود داشت (جداول ۱، ۲، ۳ و ۴). بررسی درصد فراوانی ژنوتیپ‌ها تحت تأثیر تنش شوری نشان داد که میزان بقای ۱۵ درصد از ژنوتیپ‌ها (۳۱ ژنوتیپ)، بین ۱۰۰-۷۶ درصد بود و ۵۵ درصد (۱۱۳ ژنوتیپ‌ها) میزان بقای ۲۵-۰ درصد داشتند (شکل ۱). در میان ژنوتیپ‌ها، ۱۰ ژنوتیپ دارای بقای ۱۰۰ درصد بودند و ۶۹ ژنوتیپ بعد از چهار هفته اعمال تنش شوری به‌طور کامل از بین رفتند (جداول ۱ و ۴). با توجه به نتایج به‌دست‌آمده در شرایط تنش شوری ۱۲ دسی زیمنس بر متر در محیط هیدروپونیک، تنوع قابل توجهی از نظر تحمل به شوری در میان ژنوتیپ‌های

نخود وجود داشت؛ اگرچه نباید از این نکته غافل شد که در شرایط هیدروپونیک، فراهمی عناصر غذایی در محلول هوگلند می‌تواند میزان تحمل به شوری را در گیاهان افزایش دهد؛ در نتیجه تحمل ۱۲ دسی زیمنس بر متر تنش شوری در این شرایط، لزوماً برابر با تحمل این سطح از تنش شوری در شرایط طبیعی نخواهد بود. از سوی دیگر، شوری اعمال شده در این بررسی، کلرید سدیم خالص بود که معمولاً در شرایط طبیعی، به‌ندرت شوری موجود در آب و خاک زراعی، از کلرید سدیم خالص است و عموماً سایر عناصر مفید مانند پتاسیم نیز در شرایط شور همراه آب آبیاری است که در تعدیل اثرات تنش کارآمد است. در مجموع و با وجود حساسیت بالای نخود به تنش شوری وجود این تنوع در تحمل شوری می‌تواند امید بخش باشد (Kaashyap *et al.*, 2022).



شکل ۱- تعداد (A) و درصد فراوانی نسبی (B) ژنوتیپ‌های نخود در دامنه‌های بقاء، چهار هفته بعد از اعمال تنش شوری ۱۲ دسی زیمنس بر متر کلرید سدیم.

Fig. 1. Number (A) and frequency (B) of chickpea genotypes in different survival range after four weeks of 12dS.m⁻¹ NaCl salinity.

جدول ۱- تأثیر تنش شوری (۱۲ دسی زیمنس بر متر کلرید سدیم) بر صفات مورد مطالعه در ژنوتیپ‌های نخود در دامنه بقاء ۷۶ تا ۱۰۰ درصد

Table 1. Effect of salinity stress (12 dS m⁻¹ of sodium chloride) on different traits of chickpea genotypes in the survival range of 76-100%

ژنوتیپ Genotype (MCC)	بقاء Survival %	شاخه در بوته Branch/plan t	ارتفاع بوته Plant height (cm)	اختلاف ارتفاع بوته ΔHeight (cm)	زیست توده Biomass (mg.plant ⁻¹)	محتوی سدیم Na (mg.gdw ⁻¹)	محتوی پتاسیم K (mg.gdw ⁻¹)	نسبت سدیم به پتاسیم Na/K
1703	100	10.0	24	7	690	3.00	11.7	0.26
1568	100	10.0	26	9	617	6.50	28.6	0.23
1573	100	12.3	24	7	404	18.2	17.9	1.02
1737	100	9.00	23	3	739	4.10	19.7	0.21
1209	100	10.5	27	10	772	5.10	30.6	0.17
1466	100	10.0	23	7	594	15.20	7.1	2.14
1493	100	9.30	20	2	461	9.30	10.9	0.85
1832	100	9.00	26	8	193	3.30	7.0	0.47
1957	100	10.5	23	4	546	31.80	43.4	0.73
1721	100	12.5	27	6	371	5.70	3.7	1.37
2016	92	9.00	26	8	613	5.40	14.7	0.37
1704	92	9.70	21	3	457	7.50	22.1	0.34
1641	91	12.3	32	11	757	11.30	13.6	0.83
1815	91	9.70	28	9	654	8.40	20.8	0.40
1775	91	10.3	25	8	539	1.90	12.4	0.15
1787	90	9.70	26	7	536	8.80	14.5	0.61

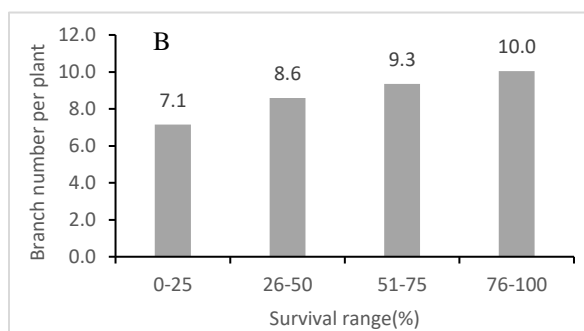
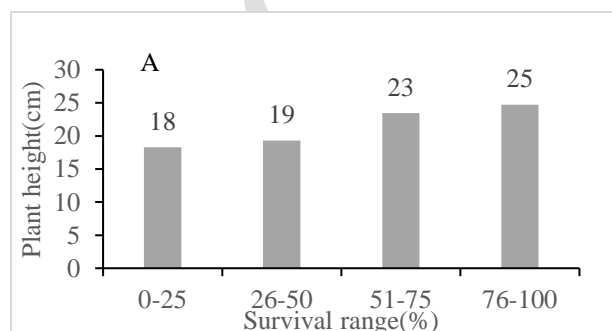
1760	90	11.0	24	6	572	8.20	6.6	1.24
1625	90	8.00	22	2	638	3.40	11.8	0.29
1977	89	8.70	21	10	392	4.70	7.6	0.62
1716	87	11.0	40	0	799	3.90	6.8	0.57
1782	85	10.3	22	9	462	2.50	10.2	0.24
2112	85	11.7	28	9	725	5.00	6.8	0.73
1827	85	9.00	24	4	481	8.80	9.0	0.98
1918	83	10.0	18	3	668	6.40	13.0	0.49
1516	83	11.3	21	5	545	7.00	43.2	0.16
2121	83	7.30	22	2	526	3.50	15.0	0.23
1545	82	9.30	27	7	530	4.20	10.3	0.41
1760	80	7.00	22	5	656	8.90	24.0	0.37
2009	77	11.3	28	9	561	8.60	19.9	0.43
1507	77	10.7	26	6	383	3.60	25.9	0.14
1529	76	11.0	19	1	446	15.4	17.9	0.86
حداقل تفاوت معنی دار LSD _(0.05)	2.32	2.99	7.40	4.60	275.23	5.11	5.29	6.34
سطح احتمال P value	0.01**	0.01**	0.01**	0.01**	0.01**	0.01**	0.01**	0.01**
ضریب تغییرات %CV	4	19	19	69	34	25	18	90

MCC: بانک بذر نخود مشهد، LSD: حداقل تفاوت معنی دار در سطح احتمال پنج درصد، CV: ضریب تغییرات.

MCC: Mashhad Chickpea Collection, LSD: Least Significant Difference in $p \leq 0.05$ of probability level, CV: Coefficient of variation.

از نظر ارتفاع بوته، بین ژنوتیپ‌های نخود تحت تنش شوری ۱۲ دسی زیمنس بر متر، تفاوت معنی داری مشاهده شد (جدول ۱، ۲، ۳ و ۴). بررسی روند ارتفاع بوته در دامنه‌های بقا، تحت تنش شوری نشان داد که متوسط ارتفاع بوته با کاهش میزان بقا کاهش می‌یابد. این میزان کاهش به نحوی بود که متوسط ارتفاع بوته نسبت به دامنه بقای ۱۰۰-۷۶ درصد در دامنه بقای بین ۷۵-۵۱، ۵۰-۲۶، ۰-۲۵ درصد، به ترتیب ۸/۹، ۳۲ و ۳۹ درصد ارتفاع کاهش یافت (شکل ۲A). ارتفاع بوته با بقا همبستگی مثبت دارد و می‌تواند بیانگر رشد بیشتر ژنوتیپ‌های متحمل به شوری باشد (جدول ۵).

سطوح بالای شوری با بر هم زدن تعادل یونی گیاهان و کاهش پتانسیل آبی ریشه‌ها استخراج آب را محدود کرده و سرعت رشد را کاهش می‌دهد (Sun *et al.*, 2017). بنابراین رشد گیاه و افزایش ارتفاع گیاه در شرایط تنش شوری کاهش می‌یابد. کاهش ارتفاع بوته در گیاه نخود در سایر مطالعات نیز گزارش شده که با نتایج این مطالعه همخوانی دارد (Doraki *et al.*, 2018).



شکل ۲- متوسط ارتفاع بوته (A) و تعداد شاخه‌های فرعی در بوته (B) در ژنوتیپ‌های نخود در دامنه‌های بقاء، چهار هفته بعد از اعمال تنش شوری ۱۲ دسی زیمنس بر متر کلرید سدیم.

Fig. 2. Average plant height (A) and branch number per plant (B) of chickpea genotypes in different survival range after four weeks of 12 dS m⁻¹ NaCl salinity.

بین ژنوتیپ‌های نخود، تفاوت معنی‌داری از نظر تعداد شاخه فرعی در بوته تحت تنش شوری وجود داشت (جداول ۱، ۲، ۳ و ۴). با افزایش بقاء در تنش شوری ۱۲ دسی زیمنس بر متر، تعداد شاخه‌های فرعی در بوته افزایش یافت، به شکلی که تعداد شاخه‌های فرعی در بوته، از دامنه بقای ۰-۲۵ درصد به ۲۶-۵۰، ۵۱-۷۵ و ۷۶-۱۰۰ درصد، به ترتیب ۲۱، ۳۰ و ۴۰ درصد افزایش یافت (شکل ۲ B). همبستگی تعداد شاخه فرعی در بوته با بقاء ($r^2=0/49^{**}$) و ارتفاع بوته ($r^2=0/44^{**}$) مثبت و معنی‌دار بود (جدول ۵). هر چه بوته‌ها از ارتفاع بیشتر برخوردار بودند تعداد شاخه‌های فرعی آن نیز بیشتر بود. با توجه به این نتایج، ژنوتیپ‌هایی که قادر به حفظ بقای بالاتری شده بودند، توسعه بیشتری پیدا کردند و از تعداد شاخه بیشتر برخوردار بودند (Vaishnani *et al.*, 2022). تنش شوری باعث برهم خوردن تعادل اسمزی در گیاه شده و به بافت‌های گیاه از طریق سمیت یونی، برهمکنش‌های هورمونی آسیب وارد می‌کند و عملکرد گیاه را کاهش می‌دهد. افزایش غلظت سدیم در گیاه سبب کاهش اندازه برگ‌ها، بسته شدن روزنه‌ها، افزایش نکروز و کلروز برگ و سپس مرگ برگ می‌شود (Soren *et al.*, 2020).

جدول ۲- تأثیر تنش شوری (۱۲ دسی زیمنس بر متر کلرید سدیم) بر صفات مورد مطالعه در ژنوتیپ‌های نخود در دامنه بقای ۵۱ تا ۷۵ درصد.

Table 2. Effect of salinity stress of (12 dS m⁻¹ of sodium chloride) on different traits in chickpea genotypes in the survival range of 51-75%

ژنوتیپ Genotype (MCC)	بقاء Survival %	شاخه در بوته Branch/plant	ارتفاع بوته Plant height (cm)	اختلاف ارتفاع بوته Δ Height (cm)	زیست توده Biomass (mg.plant ⁻¹)	محتوی سدیم Na (mg.gdw ⁻¹)	محتوی پتاسیم K (mg.gdw ⁻¹)	نسبت سدیم به پتاسیم Na/K
1816	75	9.67	27	6	630	5.50	37.90	0.14
1973	75	9.33	26	8	590	17.8	5.20	3.42
1748	74	9.67	22	6	363	8.00	53.20	0.15
1836	70	8.00	21	6	553	6.60	33.70	0.19
1606	70	8.00	21	3	484	0.90	10.80	0.08
2034	70	11.0	29	9	556	35.9	7.90	4.54
1820	69	11.3	24	8	529	3.50	29.30	0.12
1812	69	10.3	21	4	673	3.40	6.60	0.51
1809	68	11.0	30	19	614	6.40	20.80	0.38
1887	68	11.0	28	10	742	3.50	9.70	0.36
1585	67	8.67	21	6	728	32.1	4.20	7.64
1277	67	9.33	25	7	677	4.30	21.10	0.20
1883	62	10.0	24	4	329	13.1	12.30	1.07
1571	62	10.7	21	8	335	3.90	41.4	0.09
1971	62	9.67	22	3	663	27.6	9.40	2.94
1987	62	9.33	24	8	517	5.60	31.40	0.18
1905	61	10.0	20	5	423	6.10	2.00	3.05
1865	60	11.0	23	7	704	3.30	6.70	0.49
1808	60	9.00	24	3	560	3.30	10.30	0.32
1512	58	11.7	24	9	654	6.90	9.70	0.71
1964	58	6.33	28	8	300	2.80	20.80	0.13

2117	57	8.50	18	1	584	11.9	15.50	0.77
1803	56	7.00	16	2	446	15.9	7.10	2.24
1803	54	7.67	20	3	375	8.30	31.80	0.26
1574	51	7.00	21	5	395	14.2	8.40	1.69
1561	51	5.50	20	0	378	17.6	61.40	0.29
1278	51	11.0	26	6	324	4.30	46.80	0.09
1763	51	10.0	30	11	421	19.4	13.70	1.42
حداقل تفاوت معنی‌دار LSD _(0.05)	2.32	2.99	7.40	4.60	275.23	5.11	5.29	6.34
سطح احتمال P _{value}	0.01**	0.01**	0.01**	0.01**	0.01**	0.01**	0.01**	0.01**
ضریب تغییرات %CV	4	19	19	69	34	25	18	90

MCC: بانک بذر نخود مشهد، LSD: حداقل تفاوت معنی‌دار در سطح احتمال پنج درصد، CV: ضریب تغییرات.

MCC: Mashhad Chickpea Collection, LSD: Least Significant Difference in $p \leq 0.05$ of probability level, CV: Coefficient of variation.

جدول ۳- تأثیر تنش شوری (۱۲ دسی زیمنس بر متر کلرید سدیم) بر صفات مورد مطالعه در ژنوتیپ‌های نخود در دامنه بقای ۲۶ تا ۵۰ درصد

Table 3. Effect of salinity stress of (12 dS m⁻¹ of sodium chloride) on different traits in chickpea genotypes in the survival range of 26-50%

ژنوتیپ Genotype (MCC)	بقاء Survival %	شاخه در بوته Branch/plan t	ارتفاع بوته Plant height (cm)	اختلاف ارتفاع بوته Δ Height (cm)	زیست توده Biomass (mg.plant ⁻¹)	محتوی سدیم Na (mg.gdw ⁻¹)	محتوی پتاسیم K (mg.gdw ⁻¹)	نسبت سدیم به پتاسیم Na/K
1508	50	8.00	9	3	664	5.3	7.00	0.76
1286	50	11.0	22	6	480	19.1	5.80	3.80
1548	50	9.67	16	5	737	8.7	34.7	0.25
20555	50	8.33	19	5	630	4.1	10.0	0.41
1966	50	9.67	24	5	588	14.1	35.1	1.66
2122	50	6.00	14	3	255	9.6	8.50	1.13
1963	50	9.33	22	4	712	10.7	1.50	7.13
1515	50	6.00	18	1	471	34.9	4.50	7.75
1580	50	10.0	20	3	704	18.0	5.70	3.18
2084	50	8.00	22	3	314	9.0	6.30	2.43
1755	46	8.00	20	1	671	24.7	4.60	5.37
1914	44	7.67	17	2	257	21.1	60.8	0.35
1578	44	8.33	22	3	390	1.6	20.4	0.08
1709	43	10.7	20	5	565	4.0	9.20	0.43
1846	40	8.33	13	4	419	14.4	2.30	6.26
1816	39	10.5	23	5	503	27.0	27.3	0.99
1889	36	13.3	20	4	621	9.1	14.1	0.64
2010	36	9.33	17	6	236	14.7	28.6	0.51
1503	34	8.00	21	4	357	31.0	24.8	1.25
1817	33	8.67	19	7	359	4.6	10.3	0.45
1626	33	8.67	15	5	451	4.8	47.1	0.10
1514	33	9.00	22	7	453	12.0	29.7	0.40
1731	33	7.00	14	0	218	18.3	4.40	4.16
1925	33	5.67	22	7	231	29.2	4.70	6.21
1636	33	9.33	21	1	541	2.7	20.1	0.13
1777	33	8.00	29	7	427	8.4	7.40	1.13
1680	33	8.33	20	4	340	8.8	5.10	1.72
2082	29	8.00	26	5	514	11.1	26.0	0.43
1500	29	8.00	17	2	416	15.7	25.9	0.61
1063	29	10.0	19	2	357	5.5	6.40	0.86
1546	27	10.0	23	7	661	6.8	7.50	0.91
1576	27	7.67	19	0	408	7.3	6.80	1.07
1751	26	6.00	16	3	337	2.0	10.0	0.2
1501	26	7.50	16	6	201	9.1	4.70	1.94

حداقل تفاوت معنی‌دار LSD _(0.05)	2.32	2.99	7.40	4.60	275.23	5.11	5.29	6.34
سطح احتمال P _{value}	0.01**	0.01**	0.01**	0.01**	0.01**	0.01**	0.01**	0.01**
ضریب تغییرات %CV	4	19	19	69	34	25	18	90

MCC: بانک بذر نخود مشهد، LSD: حداقل تفاوت معنی‌دار در سطح احتمال پنج درصد، CV: ضریب تغییرات.

MCC: Mashhad Chickpea Collection, LSD: Least Significant Difference in $p \leq 0.05$ of probability level, CV: Coefficient of variation.

همان طور که از نتایج پیدا است گیاهان تحت تنش شوری به دلیل کاهش رشد و صرف انرژی بیشتر برای تحمل تنش فرصت تولید شاخه بیشتری نداشتند. غلظت سدیم اندام هوایی ژنوتیپ‌های نخود، تحت تأثیر معنی‌دار شوری قرار گرفت (جداول ۲، ۳ و ۴). در شرایط شوری، تلاش گیاهان به شکلی است که غلظت پتاسیم در اندام هوایی نسبت به سدیم بیشتر شود. این نسبت از طریق فعالیت انتقال‌دهنده‌های یون سدیم و پتاسیم انجام می‌گیرد (Pushpavalli *et al.*, 2016, Kumar *et al.*, 2021).

جدول ۴- تأثیر تنش شوری (۱۲ دسی زیمنس بر متر کلرید سدیم) بر صفات مورد مطالعه در ژنوتیپ‌های نخود در دامنه بقای صفر تا ۲۵ درصد

Table 4. Effect of salinity stress of (12 dS m⁻¹ of sodium chloride) on traits studied in chickpea genotypes in the survival range of 0-25%

ژنوتیپ Genotype (MCC)	بقاء Survival %	شاخه در بوته Branch/plant	ارتفاع بوته Plant height (cm)	اختلاف ارتفاع بوته Δ Height (cm)	زیست توده Biomass (mg.plant ⁻¹)	محتوی سدیم Na (mg.gdw ⁻¹)	محتوی پتاسیم K (mg.gdw ⁻¹)	نسبت سدیم به پتاسیم Na/K
1549	25	7.33	20	4	280	5.90	37.7	0.16
1687	25	7.67	20	2	233	11.3	6.90	1.64
2113	24	6.00	14	0	453	20.2	3.10	6.52
1484	23	7.67	22	6	651	20.9	6.60	3.17
1975	23	10.33	18	3	287	2.60	6.80	0.38
1956	22	9.33	19	8	447	1.60	10.0	0.16
1531	22	11.00	22	4	635	14.6	9.40	1.55
1974	22	7.67	17	0	396	6.00	4.10	1.46
1637	22	10.67	23	4	668	12.3	5.50	2.24
1953	20	7.67	21	2	273	12.8	47.3	0.27
2114	20	8.00	17	0	498	11.4	27.2	0.42
1640	20	6.33	16	0	216	4.40	40.1	0.11
1354	20	9.33	19	1	329	18.8	3.60	5.22
1615	18	8.33	20	2	358	1.80	9.70	0.19
1512	18	7.67	20	3	345	7.40	9.40	0.79
1829	17	7.67	22	3	625	23.9	3.30	7.24
1769	17	7.67	17	1	438	14.5	39.9	0.36
1917	17	9.67	19	4	532	5.70	16.9	0.34
1741	17	4.67	15	0	127	4.20	5.80	0.72
1518	17	7.67	16	4	384	23.8	4.90	4.86
1811	17	8.00	17	2	422	29.9	7.50	3.99
1428	17	7.67	18	0	366	5.90	13.5	0.44
1567	17	8.67	17	0	386	8.60	8.30	1.04
1553	17	8.33	16	2	309	14.5	5.80	2.50
1844	15	7.00	21	1	531	16.0	6.30	2.54
1913	15	10.00	20	5	676	4.00	8.60	0.47
1958	14	7.67	18	0	450	22.5	7.20	3.13
2120	14	10.67	20	4	598	12.7	10.0	1.27
2116	14	7.00	24	4	411	13.3	28.1	0.47
1586	14	6.67	18	2	293	15.1	2.70	5.59

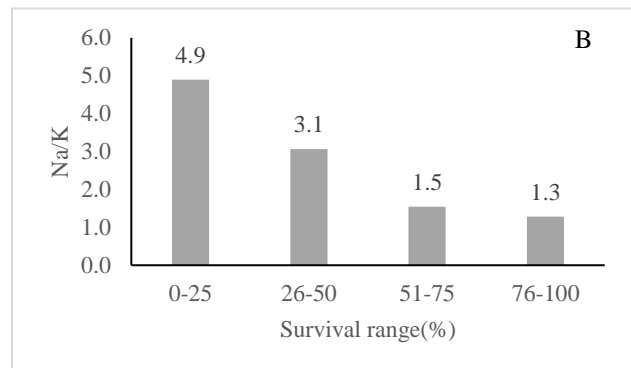
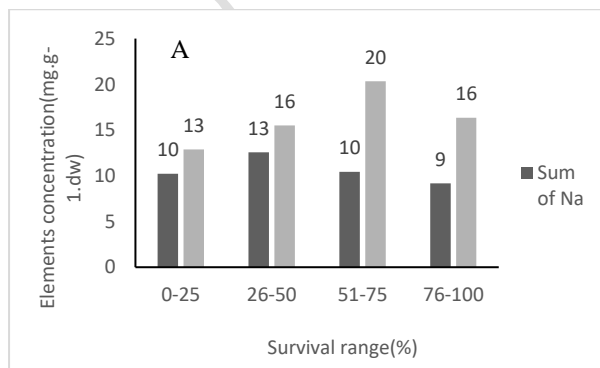
1834	13	9.00	23	7	553	16.4	44.2	0.37
1667	13	7.00	16	3	416	4.90	8.60	0.57
1972	13	6.67	26	4	412	3.00	7.40	0.41
1803	11	9.33	18	6	572	10.7	5.00	2.14
1425	11	7.67	18	0	490	24.0	5.10	4.71
1924	11	6.33	20	4	321	13.9	32.8	0.42
1276	10	6.67	16	0	379	8.10	7.90	1.03
1772	9	5.67	16	2	440	5.90	11.5	0.51
2045	9	8.33	18	3	434	4.40	34.2	0.13
1577	9	8.67	20	1	493	22.3	13.8	1.62
2017	8	6.00	20	1	184	22.1	41.2	0.54
1713	8	7.67	18	0	465	4.70	12.6	0.37
1764	8	6.00	16	1	263	3.60	4.70	0.77
1639	8	7.33	17	0	381	21.4	4.50	4.76
1993	0	6.33	17	7	304	7.40	35.0	0.21
2115	0	7.67	17	1	423	4.00	7.40	0.54
2073	0	6.67	16	0	231	4.90	7.70	0.64
1894	0	7.67	23	0	315	3.30	9.50	0.35
2019	0	6.00	18	3	339	5.30	7.60	0.70
1465	0	4.00	17	0	185	3.00	10.4	0.29
1779	0	4.33	16	1	107	1.30	10.4	0.13
1649	0	6.33	15	0	216	1.30	9.00	0.14
1847	0	6.00	14	2	260	3.70	8.30	0.45
1776	0	5.67	19	0	282	3.50	31.7	0.11
1721	0	8.50	18	3	150	18.6	34.6	0.54
1766	0	6.33	14	0	209	7.00	19.9	0.35
1554	0	5.33	14	1	138	27.6	46.4	0.59
1772	0	8.33	18	0	251	2.80	48.6	0.06
1707	0	6.33	19	0	409	1.80	10.2	0.18
1919	0	8.00	20	2	357	1.60	4.60	0.35
1956	0	5.00	15	4	185	3.30	8.70	0.38
2020	0	8.00	18	0	333	2.30	6.20	0.37
1770	0	7.33	20	0	222	19.5	8.20	2.38
1584	0	5.50	17	0	302	13.8	8.50	1.62
1626	0	10.00	23	4	494	6.90	7.20	0.96
1834	0	5.33	16	1	223	5.70	36.1	0.16
1618	0	5.00	18	0	199	5.50	24.6	0.22
1900	0	6.00	20	0	248	5.50	34.0	0.16
1726	0	7.67	24	4	448	13.5	24.0	0.56
1613	0	8.67	20	2	426	14.8	40.4	0.37
1644	0	6.00	18	1	314	5.30	11.3	0.47
1640	0	6.67	18	0	148	4.30	3.50	1.23
1631	0	8.67	25	3	415	9.90	5.00	1.98
1619	0	7.33	18	1	206	5.30	12.4	0.43
1543	0	6.33	19	0	280	14.4	7.00	2.06
1801	0	6.67	17	1	261	7.90	7.70	1.03
1898	0	8.33	18	0	261	10.5	6.60	1.59
1732	0	11.33	19	6	591	19.5	5.20	3.75
1603	0	7.00	16	1	226	9.80	7.30	1.34
1915	0	6.00	14	1	238	3.70	5.70	0.65
1695	0	6.33	18	4	95	1.30	7.80	0.17
1810	0	5.00	16	1	100	2.80	0.20	14.00
1813	0	8.33	15	2	209	9.00	4.50	2.00
1751	0	7.00	16	0	266	8.30	4.70	1.77
2003	0	7.33	15	0	242	6.70	3.10	2.16
1774	0	11.00	28	5	414	6.00	5.20	1.15
1997	0	6.00	15	0	153	2.60	5.80	0.45
2031	0	5.00	18	0	219	7.90	3.60	2.19
1611	0	7.00	20	0	316	15.0	32.1	0.47
1838	0	3.00	9	0	116	55.1	40.3	1.37
2118	0	7.33	15	2	251	15.7	4.6	3.41
1635	0	5.67	18	1	422	7.50	5.90	1.27
1761	0	5.67	19	0	319	9.10	7.70	1.18
1597	0	7.33	18	1	416	7.20	3.40	2.12
1604	0	7.00	14	1	224	6.50	7.40	0.88
1852	0	5.67	17	0	281	9.60	7.20	1.33

1528	0	6.00	19	0	247	6.60	6.20	1.06
1838	0	6.67	17	0	315	10.6	8.70	1.22
1699	0	3.50	16	0	186	5.10	4.10	1.24
1967	0	5.67	17	0	233	7.40	7.10	1.04
2078	0	9.00	17	1	437	14.6	2.90	5.03
1234	0	4.00	15	4	208	6.50	4.40	1.48
1551	0	5.67	22	5	273	4.90	9.10	0.54
1830	0	6.67	16	0	260	8.10	15.0	0.54
1896	0	8.00	27	4	669	19.10	5.00	3.82
1837	0	11.00	32	7	671	19.10	8.30	2.30
2018	0	4.33	17	0	215	5.80	7.50	0.77
1747	0	7.50	22	3	475	15.1	6.00	2.52
1698	0	3.00	12	5	115	17.9	9.80	1.83
1525	0	9.00	22	3	497	11.4	4.60	2.48
1312	0	5.00	16	0	170	3.80	4.40	0.86
1665	0	6.00	16	1	128	3.80	7.60	0.50
2046	0	9.50	20	2	277	15.0	2.20	6.82
حدافل تفاوت معنی دار LSD _(0.05)	2.32	2.99	7.40	4.60	275.23	5.11	5.29	6.34
سطح احتمال P value	0.01**	0.01**	0.01**	0.01**	0.01**	0.01**	0.01**	0.01**
ضریب تغییرات %CV	4	19	19	69	34	25	18	90

MCC: بانک بذر نخود مشهد، LSD: حدافل تفاوت معنی دار در سطح احتمال پنج درصد، CV: ضریب تغییرات.

MCC: Mashhad Chickpea Collection, LSD: Least Significant Difference in $p \leq 0.05$ of probability level, CV: Coefficient of variation.

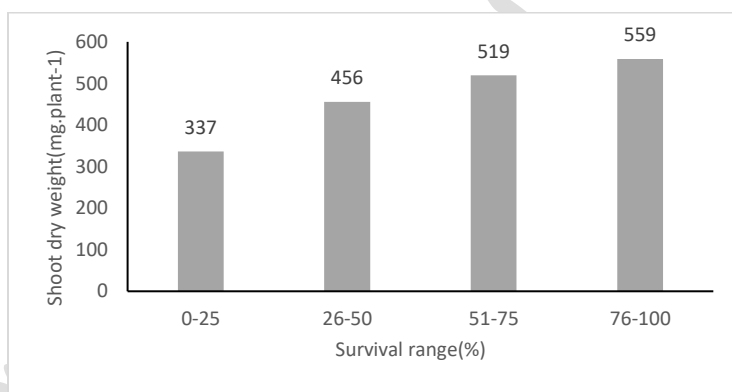
در مطالعه حاضر، غلظت سدیم در اندام‌های هوایی نخود در بقای بالای ۷۶ درصد کمترین مقدار بود. در بقای کمتر از ۷۵ درصد، مقدار سدیم در اندام هوایی تغییرات معنی داری نداشت، اما مقدار پتاسیم در آن دسته ژنوتیپ‌هایی که تحمل بیشتری به تنش شوری داشته و بقای بالاتری دارند، همواره بیشتر از سایر ژنوتیپ‌های نخود بود (جداول ۲، ۳ و ۴). تنش شوری سبب افزایش سدیم در گیاه و آسیب به برگ و کاهش فتوسنتز می‌شود گیاهان تحت تنش شوری رشد رویشی و زايشی خود را کاهش می‌دهند این عمل سبب بقای بیشتر گیاه می‌شود (Kotula *et al.*, 2019). تنش شوری باعث افزایش قابل توجهی میزان سدیم در اندام‌های هوایی نخود می‌شود. تاثیر تنش شوری بر مقدار سدیم در اندام‌های هوایی گیاه نشان از آن است که گیاه نخود نسبت به تنش شوری حساس است و کارایی لازم در برابر ورود نمک به سیستم آوندی خود را ندارد (Doraki *et al.*, 2018).



شکل ۳- غلظت سدیم و پتاسیم اندام‌های هوایی (A) و نسبت غلظت سدیم به پتاسیم اندام‌های هوایی (B) در ژنوتیپ‌های نخود در دامنه‌های بقاء، چهار هفته بعد از اعمال تنش شوری ۱۲ دسی زیمنس بر متر کلرید سدیم.

Fig. 3- Shoot Na and K (A) and Na/K (B) concentrations of chickpea genotypes in different survival range after four weeks of 12 dS m⁻¹ NaCl salinity.

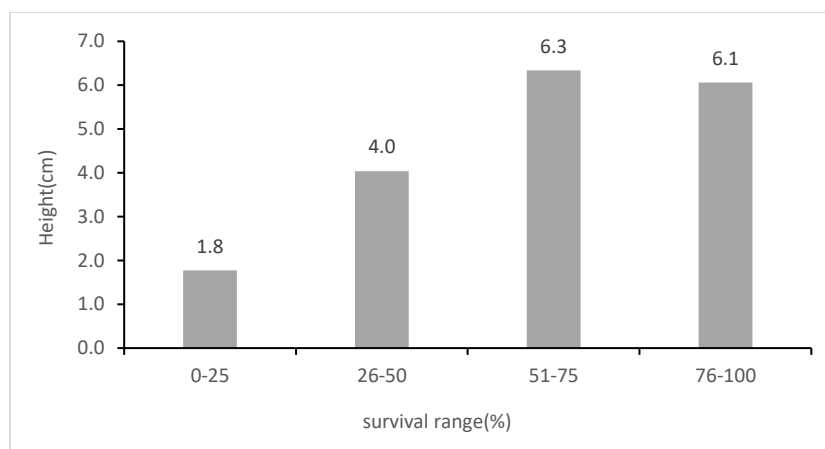
چهار هفته بعد از اعمال تنش شوری ۱۲ دسی زیمنس بر متر، بین زیست‌توده ۲۰۶ ژنوتیپ نخود تفاوت معنی‌داری وجود داشت (جداول ۱، ۲، ۳ و ۴). بررسی میزان زیست‌توده تولیدی در دامنه‌های بقاء تحت تأثیر تنش شوری نشان داد که با افزایش بقاء، زیست‌توده اندام هوایی افزایش یافت، به طوری که میزان زیست‌توده از دامنه بقاء صفر تا ۲۵ درصد به ۵۰-۲۶، ۷۵-۵۱، ۱۰۰-۷۶ درصد به ترتیب ۳۸، ۵۴ و ۶۶ درصد افزایش یافت (شکل ۴) کاهش رشد گیاه در هنگام تنش شوری را می‌توان به کم شدن میزان فتوسنتز گیاه نسبت داد که خود ناشی از تاثیر منفی تنش شوری بر مکانیسم‌های شیمیایی و غیر شیمیایی گیاه در معرض شوری است. همچنین کم شدن رشد گیاه می‌تواند به دلیل خشکی ایجاد شده توسط تنش شوری باشد که موجب کاهش پتانسیل اسمزی در محیط رشد می‌شود و گیاه را مجبور به استفاده از ترکیبات یونی برای تنظیم اسمزی می‌کند (Doraki et al., 2018).



شکل ۴- وزن اندام هوایی ژنوتیپ‌های نخود در دامنه‌های بقاء، چهار هفته بعد از اعمال تنش شوری ۱۲ دسی زیمنس بر متر کلرید سدیم.

Fig. 4. Shoot dry weight of chickpea genotypes in survival range after four weeks of 12 dS m⁻¹ NaCl salinity

زیست‌توده تولیدی، برآیند تمامی فعالیت‌های گیاه در طول دوره رشد است. بعد از اعمال تنش شوری ۱۲ دسی زیمنس بر متر بین اختلاف ارتفاع بوته قبل و بعد از تنش تفاوت معنی‌داری وجود داشت (جداول ۱، ۲، ۳ و ۴). بررسی میزان اختلاف ارتفاع بوته نشان داد که با افزایش میزان بقاء، اختلاف ارتفاع بوته نیز افزایش می‌یابد، به طوری که میزان اختلاف ارتفاع بوته از دامنه بقاء صفر تا ۲۵ درصد به ۵۰-۲۶، ۷۵-۵۱، ۱۰۰-۷۶ درصد به ترتیب ۲/۲۲، ۳/۵ و ۳/۴ برابر افزایش یافت (شکل ۵). به دلیل اینکه تورژانس در سلول‌ها به طور مناسب انجام نمی‌شود و گیاه بیشتر مواد تولیدی خود را صرف مقابله با تنش شوری می‌کند در نتیجه دوره رشد گیاه کوتاه می‌شود و مکانیسم‌های فرار از تنش، تماماً مانع رشد و تولید زیست‌توده می‌شود گیاهی که بقاء بیشتری دارد زمان بیشتری برای رشد دارد در نتیجه میزان زیست‌توده آن نیز بیشتر است (Doraki et al., 2018).



شکل ۵- اختلاف ارتفاع بوته قبل و بعد از تنش ژنوتیپ‌های نخود در دامنه‌های بقاء، چهار هفته بعد از اعمال تنش شوری ۱۲ دسی زیمنس بر متر کلرید سدیم.

Fig. 5. Δ Height (cm) of chickpea genotypes in survival ranges after four weeks of 12 dS m⁻¹ NaCl salinity

تنش شوری به سبب ایجاد تأثیراتی مانند تنش اسمزی و سمیت یونی همراه با سمیت سدیم و تنش اکسیداتیو رشد گیاه را کاهش می‌دهد (Kumar *et al.*, 2021). ایجاد پتانسیل اسمزی جذب آب را محدود می‌کند که بر رشد گیاه تأثیر منفی می‌گذارد و زیست‌توده را کاهش می‌دهد (Kumar *et al.*, 2021).

زیست‌توده تولیدی یکی از شاخص‌های برای تشخیص وضعیت گیاه است. بین زیست‌توده و بقاء ($r^2=0/47^{**}$)، تعداد شاخه فرعی ($r^2=0/50^{**}$)، ارتفاع بوته ($r^2=0/35^{**}$) و اختلاف ارتفاع بوته ($r^2=0/30^{**}$) همبستگی مثبت و معنی‌دار مشاهده شد (جدول ۵). سایر پژوهشگران نیز همبستگی معنی‌داری بین صفات فوق و زیست‌توده گزارش کرده‌اند (Yamchi *et al.*, 2013; Zare *et al.*, 2011).

جدول ۵- ضرایب همبستگی صفات مورد مطالعه ژنوتیپ نخود تحت تأثیر تنش شوری ۱۲ دسی زیمنس بر متر کلرید سدیم

Table 5. Correlation coefficients of traits studied in chickpea genotypes under 12 dS m⁻¹ sodium chloride salt stress

	1.	2.	3.	4.	5.	6.	7.	8.
1. بقاء Survival	1							
2. تعداد شاخه Branch No	0.49 ^{**}	1						
3. ارتفاع بوته Plant height	0.44 ^{**}	0.41 ^{**}	1					
4. اختلاف ارتفاع بوته Δ Height	0.50 ^{**}	0.43 ^{**}	0.55 ^{**}	1				
5. زیست توده Biomass	0.47 ^{**}	0.50 ^{**}	0.35 ^{**}	0.30 ^{**}	1			
6. محتوی سدیم Na	0.02 ^{ns}	0.06 ^{ns}	0.00 ^{ns}	-0.01 ^{ns}	0.07 ^{ns}	1		
7. محتوی پتاسیم K	0.14 ^{**}	0.04 ^{ns}	0.07 ^{ns}	0.12 ^{**}	-0.04 ^{ns}	0.05 ^{ns}	1	
8. نسبت سدیم به پتاسیم Na/K	-0.01 ^{ns}	0.01 ^{ns}	-0.04 ^{ns}	-0.08 ^{ns}	0.04 ^{ns}	0.35 ^{**}	-0.25 ^{**}	1

* و **: به ترتیب، معنی‌دار در سطح احتمال پنج درصد و یک درصد و غیر معنی‌دار

*, ** and ns: significant in 5%, and 1% of the probability levels and nonsignificant, respectively.

تجزیه به عامل‌ها

از طریق تجزیه به عامل می‌توان به تأثیر شرایط محیطی بر اهمیت و گروه‌بندی صفات مختلف پی برد. عامل اول، حدود ۴۳ درصد از تغییرات را توجیه کرد که شامل بقاء، تعداد شاخه و ارتفاع گیاه، اختلاف ارتفاع بوته و زیست‌توده با بار منفی می‌باشد و عامل دوم که حدود ۲۰ درصد از تغییرات را توجیه کرد، شامل میزان سدیم و نسبت سدیم به پتاسیم با بار منفی بودند. با توجه به اهمیت این دو عامل، صفات مذکور به‌عنوان مهم‌ترین صفات به منظور انتخاب ژنوتیپ‌های نخود بوده و ژنوتیپ‌های برگزیده شده، بیشترین میزان تحمل به تنش شوری را دارند. عامل سوم که حدود ۱۳ درصد تغییرات را توجیه می‌کند، شامل میزان پتاسیم در اندام هوایی با بار مثبت بود (جدول ۶). همان‌طور که مشاهده می‌شود میزان اشتراک اکثر صفات بالا است (جدول ۶) این موضوع بیانگر آن است که تعداد عامل مورد انتخاب مناسب بوده و عامل‌های انتخاب شده توانستند تغییرات صفات را به صورت مطلوب توجیه کنند.

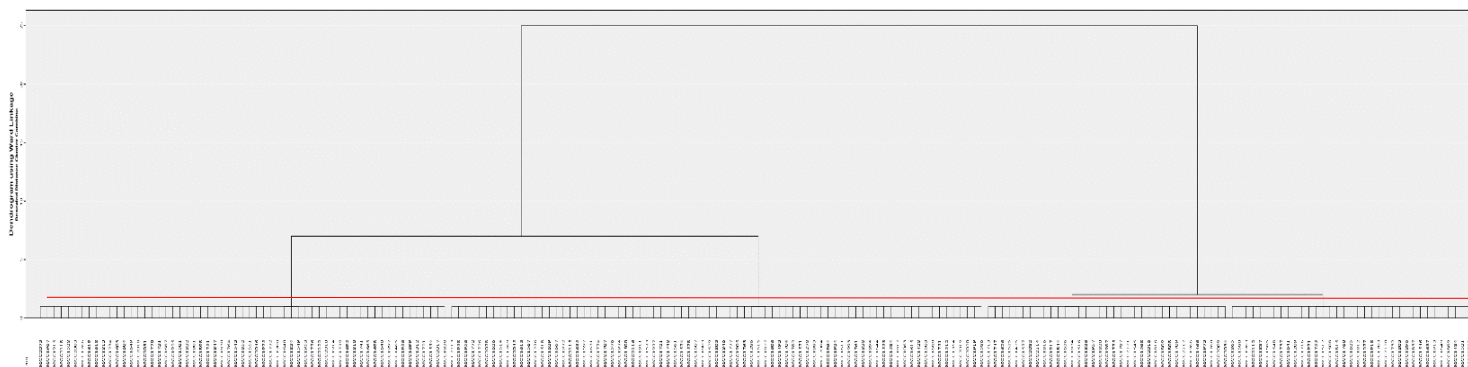
جدول ۶- تجزیه به عامل‌ها برای ژنوتیپ‌های نخود تحت تأثیر تنش شوری ۱۲ دسی زمینس بر متر کلرید سدیم

Table 6. Factor analysis for chickpea genotypes under 12 dS m⁻¹ sodium chloride salt stress

	عامل اول Factor 1	عامل دوم Factor 2	عامل سوم Factor 3
بقاءSurvival	-0.82	0.00	0.07
تعداد شاخه Branch No	-0.85	-0.09	-0.05
ارتفاع بوته Plant height	-0.82	0.02	-0.06
اختلاف ارتفاع Δ Height	-0.81	0.09	0.01
زیست توده Biomass	-0.80	-0.17	-0.13
محتوی سدیم Na	-0.02	-0.70	0.61
محتوی پتاسیم K	-0.14	0.47	0.82
نسبت سدیم به پتاسیم Na/K	0.09	-0.88	-0.02
مقدار ویژه Eigen value	3.43	1.53	1.06
درصد تجمعی Cumulative%	42.9	62.0	75.3

تجزیه خوشه‌ای

نتایج حاصل از تجزیه خوشه‌ای بر اساس صفات مورد مطالعه از طریق فاصله اقلیدسی (روش Ward)، ۲۱۵ ژرم پلاسِم نخود را به چهار گروه متمایز تقسیم کرد (شکل ۶). گروه یک با ۵۹ ژنوتیپ، گروه دوم با ۷۷ ژنوتیپ، گروه سوم با ۳۵ ژنوتیپ و گروه چهارم با ۳۵ ژنوتیپ خوشه‌بندی شدند (شکل ۶).



شکل ۶- گروه‌بندی خوشه‌ای ژنوتیپ‌های نخود با استفاده از صفات مورد مطالعه.

Fig. 6. Classifying dendrogram in chickpea genotype based on studied traits.

پایین از انتشار

به منظور بررسی بهتر گروه‌ها، برای تک‌تک صفات مورد بررسی به صورت جداگانه تجزیه واریانس یک‌طرفه انجام شد. به طوری که مشاهده می‌گردد، بین گروه‌ها در کلیه صفات به جز صفات غلظت سدیم در گیاه و نسبت سدیم به پتاسیم اختلاف معنی‌داری مشاهده گردید (جدول ۷).

به منظور بررسی سهم هر یک از صفات مورد مطالعه برای هر گروه، انحراف از میانگین کل برای صفات محاسبه شد (جدول ۸). بدیهی است اگر میانگین یک صفت در یک خوشه، از میانگین آن صفت در سایر خوشه‌ها و همچنین میانگین کل، بالاتر باشد بدین مفهوم است که ژنوتیپ‌های آن گروه برای آن صفت، ارزش بیشتری دارند. همان طور که در نتایج مقایسه میانگین صفات برای گروه‌ها ملاحظه می‌گردد (جدول ۸)، ژنوتیپ‌های گروه اول به همراه ژنوتیپ‌های گروه دوم از نظر اکثر صفات زراعی مورد بررسی در مقایسه با سایر گروه‌ها و میانگین کل ژنوتیپ‌ها، از ارزش پایینی برخوردار بودند. ژنوتیپ‌های گروه سوم و چهارم از نظر اکثر صفات زراعی مورد بررسی میانگین بالاتری را در میان سایر گروه‌ها و همچنین میانگین کل ژنوتیپ‌ها داشتند؛ بنابراین ژنوتیپ‌های این دو گروه را می‌توان به عنوان ژنوتیپ‌های برتر در این پژوهش اعلام کرد (جدول ۸).

جدول ۷- تجزیه واریانس (میانگین مربعات) گروه‌ها بر اساس صفات مورد مطالعه نخود تحت تنش شوری

Table 7. Analysis of variance (mean square) based on measured groups in chickpea genotypes under salinity stress

صفات Traits	Between Groups بین گروه‌ها	Within Groups داخل گروه‌ها
df درجه آزادی	3	202
Survival درصد بقا	65646**	156866**
Branch No تعداد شاخه	350**	465**
Plant height ارتفاع بوته	1219**	2707**
ΔHeight اختلاف ارتفاع	468**	1503**
Biomass زیست توده	5412082**	516663**
Na محتوی سدیم	109 ^{ns}	14747 ^{ns}
K محتوی پتاسیم	1214*	33777*
Na/K نسبت سدیم به پتاسیم	17.9 ^{ns}	3074 ^{ns}

* و ** و ns: به ترتیب، معنی‌دار در سطح احتمال پنج درصد و یک درصد و غیر معنی‌دار.

*, ** and ns: significant in 5%, and 1% of the probability levels and nonsignificant, respectively.

جدول ۸ - مقایسه میانگین و انحراف از میانگین صفات گروه‌ها در صفات مورد بررسی در ژنوتیپ‌های نخود تحت تنش شوری

Table 8. Cluster analysis in chickpea genotypes in salin condition

	Group 1 گروه یک	Group 2 گروه دو	Group 3 گروه ۳	Group 4 گروه ۴	Total مجموع
Number تعداد	59	77	35	35	206
Survival (%) درصد بقا	7.93 ^c ±17.6	31.0 ^b ±29.6	53.7 ^a ±33.7	52.6 ^a ±31.6	31.9±32.9
Branch No تعداد شاخه در بوته	6.34 ^c ±1.55	8.12 ^b ±1.63	9.41 ^a ±1.24	9.85 ^a ±1.46	8.12±1.99
Plant height (cm) ارتفاع بوته	16.9 ^c ±2.69	20.0 ^b ±3.59	23.2 ^a ±3.25	22.9 ^a ±5.29	20.1±4.38
ΔHeight (cm) اختلاف ارتفاع	1.49 ^c ±2.01	3.16 ^b ±2.72	5.26 ^a ±3.71	5.31 ^a ±2.63	3.40±3.10
Biomass (g.plant ⁻¹) زیست توده	214 ^d ±52.1	390 ^c ±52.6	544 ^b ±42.2	677 ^a ±51.1	415±170

محتوی سدیم Na (mg.gdw ⁻¹)	9.35 ^a ±8.86	10.8 ^a ±8.59	11.2 ^a ±8.47	11.0 ^a ±8.00	10.5±8.51
محتوی پتاسیم K (mg.gdw ⁻¹)	14.7 ^{ab} ±14.9	14.9 ^{ab} ±13.5	19.1 ^a ±12.3	10.8 ^b ±7.58	14.9±13.1
نسبت سدیم به پتاسیم Na/K	1.94 ^a ±3.32	2.30 ^a ±4.77	1.60 ^a ±2.40	2.46 ^a ±3.86	2.11±3.88

حروف متفاوت نشان دهنده تفاوت معنی دار میان گروه‌های مختلف است.

Means with the same letter are significantly differences.

به منظور تأیید تفاوت بین گروه‌ها، تجزیه واریانس چند متغیره بر پایه طرح کاملاً تصادفی نامتعادل برای صفات مورد نظر انجام شد به طوری که گروه‌ها به عنوان تیمار و ژنوتیپ‌های داخل گروه‌ها به عنوان تکرار در نظر گرفته شدند که در آن، آماره ویلکس لامبدا (Wilks' Lambda) تنها در متغیر اول در سطح احتمال یک درصد معنی دار بود (جدول ۹)؛ بنابراین، می‌توان نتیجه گرفت، بین بردار میانگین‌ها اختلاف معنی داری وجود داشته است.

جدول ۹- تجزیه واریانس چند متغیره بر پایه طرح کاملاً تصادفی نامتعادل، آماره ویلکس لامبدا در ژنوتیپ‌های نخود تحت تنش شوری

Table 9. Analysis variation of multi variables based on unbalanced completely randomized design (CRD) Wilks' Lambda in chickpea genotype under salinity stress

تابع Function	df درجه آزادی	ویلکس لامبدا Wilks' Lambda	کای مربع Chi-square	سطح احتمال Probability level
1	24	0.07	517	0.00
2	14	0.91	18.1	0.20
3	6	0.99	2.71	0.84

از طرف دیگر، به منظور بررسی صحت گروه‌بندی‌های به دست آمده از روش تجزیه خوشه‌ای، از تابع تشخیص استفاده گردید که نتایج گروه‌بندی تابع تشخیص در (جدول ۱۰) آمده است. نتایج تابع تشخیص نشان داد که تمامی ژنوتیپ‌ها به طور صحیح گروه‌بندی شده‌اند و میزان موفقیت تابع تشخیص بالا بوده و تقریباً ۹۸/۱ درصد ژنوتیپ‌ها در گروه خود قرار گرفتند.

جدول ۱۰- نتایج تابع تشخیص برای صحت گروه‌بندی ژنوتیپ‌های نخود تحت تنش شوری

Table 10. The results of discriminant function for clustering validity of chickpea genotypes under salinity stress

گروه Group	عضو گروه Group Membership				مجموع Total
	1	2	3	4	
مجموع Total	1	59	0	0	59
	2	2	74	1	77
	3	0	1	34	35
	4	0	0	0	35
درصد Percent	1	100	0	0	100
	2	2.6	96.1	1.3	100
	3	0	2.9	97.1	100
	4	0	0	0	100

۹۸/۱ درصد از گروه بندی به صورت صحیح انجام شده است

98.1 percent of original grouped cases correctly classified.

در تجزیه تابع تشخیص کانونیک، متغیرهای کانونیک که مقدار ویژه آنها بالاتر از یک باشند را می‌توان به‌عنوان معیاری مطمئن جهت انتساب ارقام جدید به گروه صحیح مورد استفاده قرار داد. در این مطالعه متغیر اول کانونیک با مقدار ویژه ۱۱/۳ و ۹۹/۲ درصد واریانس موجود را تبیین کرد. همبستگی کانونیک بسیار معنی‌دار بین ژنوتیپ‌ها با اولین متغیر کانونیک مشاهده شد (جدول ۱۱). هر متغیر کانونیک، ترکیب خطی مجموعه متغیرهای پیش‌بینی کننده و متغیرهای مجموعه اندازه‌گیری شده را محاسبه می‌کند (Alipoor Yamchi *et al.*, 2013).

ضرایب تشخیص استاندارد شده کانونیک، همبستگی خطی ساده بین متغیرهای اصلی و متغیرهای کانونیک را محاسبه می‌کند؛ لذا ضرایب تشخیص استاندارد شده کانونیک منعکس کننده واریانس مشترکی است که متغیرهای اندازه‌گیری شده با متغیرهای کانونیک دارند و می‌تواند در ارزیابی توجیه نسبی هر متغیر در هر معادله کانونیک مورد تفسیر قرار گیرد (Alipoor Yamchi *et al.*, 2013) (Rencher, 2002) نیز توصیه می‌کند که برای تفسیر توابع تشخیص، از ضرایب تشخیص استاندارد شده استفاده شود. این ضرایب، تأثیرات هر صفت را بعد از حذف اثرات سایر صفات در توابع تشخیص به دست می‌دهد.

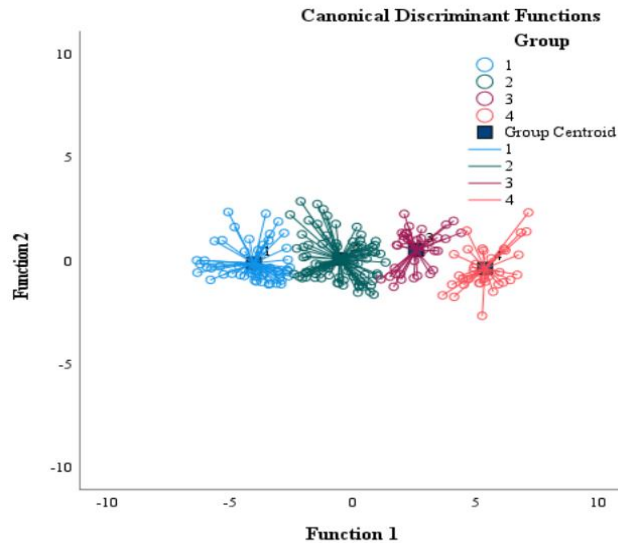
جدول ۱۱- ضرایب استاندارد کانونیک صفات اندازه‌گیری شده در ژنوتیپ‌های نخود تحت تنش شوری

Table 11. Standardized canonical discriminant function coefficients measured groups in chickpea genotypes under salinity stress

صفات Traits	Canonical Function تابع کانونیک		
	1	2	3
بقا Survival درصد بقا	-0.22*	0.39	0.13
تعداد شاخه Branch No	-0.05	0.25	0.87*
ارتفاع بوته Plant height	-0.06	0.52*	-0.06
اختلاف ارتفاع Δ Height	0.13	-0.12*	-0.64
زیست توده Biomass	1.07*	-0.20	-0.15
محتوی سدیم Na	0.15	0.10	0.15*
محتوی پتاسیم K	-0.10	0.53*	-0.35
نسبت سدیم به پتاسیم Na/K	-0.18	0.03	0.26*
مقدار ویژه Eigenvalue	11.3	0.08	0.01
درصد تجمعی Cumulative%	99.2	99.9	100
همبستگی کانونیک Canonical Correlation	0.96**	0.27 ^{ns}	0.16 ^{ns}

در حقیقت اثرات خالص هر صفت را در تابع تشخیص محاسبه می‌کند. ضرایب استاندارد شده کانونیک صفات بقا و زیست توده در اولین معادله تشخیصی کانونیک قابل توجه است (جدول ۱۱). همچنین ضرایب ارتفاع بوته، اختلاف ارتفاع بوته و غلظت پتاسیم در اندام هوایی در دومین معادله تشخیصی کانونیک زیاد است (جدول ۱۱). این نتایج حاکی از آن است که این صفات بیشترین تأثیر را در تنوع بین ژنوتیپ‌ها دارند. سپس از متغیرهای کانونیک معنی‌دار اول و دوم برای گروه‌بندی ارقام استفاده شد (شکل ۷). همان‌طور

که مشاهده می‌گردد، چهار گروه کاملاً مجزا به دست آمده و در هر گروه، تنوع ژنتیکی درون گروهی کمی نسبت به تنوع ژنتیکی بین گروهی دارد. در حقیقت، ارقام هر گروه، فاصله ژنتیکی کمی با یکدیگر دارند.



شکل ۷- گروه‌بندی ژنوتیپ‌های نخود بر اساس متغیرهای کانونیک معنی‌دار تحت تنش شوری.

Fig. 7. Cluster grouping of chickpea genotypes based on significant canonical variable under controlled conditions.

نتیجه‌گیری

نتایج نشان داد که میزان سدیم ورودی به اندام‌های هوایی ژنوتیپ‌های نخود متحمل به شوری، کمتر از ژنوتیپ‌های حساس بود. همچنین ژنوتیپ‌های متحمل به شوری نخود، از پتاسیم بالاتری در اندام هوایی خود برخوردار بودند در حالی که میزان پتاسیم در ژنوتیپ‌های حساس نخود به شدت کاهش یافته بود. بین ژنوتیپ‌های مورد بررسی تنوع ژنتیکی معنی‌داری وجود دارد و برخی از ژنوتیپ‌ها با داشتن توان زنده ماندن بالا و صفات مطلوب دیگر می‌توانند در برنامه‌های به نژادی مورد استفاده قرار گیرند و منشأ تولید ارقام اصلاح‌شده باشند. تجزیه تابع تشخیص کانونیک نیز در محاسبه میزان تنوع و شناسایی صفات بسیار مؤثر در تنوع ژنوتیپ‌های نخود، موفق عمل کرد. علاوه بر این، استفاده از روش تجزیه خوشه‌ای در تمایز ژنوتیپ‌ها به زیرگروه‌های مشابه بر اساس صفات مورفولوژیک و زراعی نتیجه مطلوب و قابل قبولی در برداشت، به‌طور کلی ژنوتیپ‌های گروه سوم (۳۵ ژنوتیپ) و چهارم (۳۵ ژنوتیپ) تجزیه خوشه‌ای، صفات مهمی مانند بقای بالا، زیست‌توده مناسب، ارتفاع بوته بیشتر را دارند و می‌توانند در برنامه‌های به نژادی برای تحمل به شوری مورد توجه قرار گیرند.

سپاسگزاری

نویسندگان لازم می دانند از حوزه معاونت پژوهشی و دانشکده کشاورزی دانشگاه فردوسی مشهد جهت تامین اعتبار اجرای این طرح سپاسگزاری نمایند.

منابع

1. Alipoor Yamchi, H., Bihamta, M., Peyghambari, S. A., Naghavi, M., and Majnoon Hoseini, N. 2013. Grouping of Kabuli chickpea genotypes using multivariate statistical methods. *Iranian Journal Pulses Research* 4(2):21-34. (In Persian with English summary).
2. Arzani, A. 2008. Improving salinity tolerance in crop plants: a biotechnological view. *In Vitro Cellular & Developmental Biology - Plant* 44: 373–383. <https://doi.org/10.1007/s11627-008-9157-7>
3. Arzani, A., and Ashraf, M. 2016. Smart engineering of genetic resources for enhanced salinity tolerance in crop plants. *Critical Reviews in Plant Sciences* 35(3): 146-189.
4. Aslam, M., Maqbool, M.A., Mushtaq, Q., Akhtar, M.A., and Aslam, A.Y.E.S.H.A. 2018. Uncovering the biological and agronomic stability of Chickpea (*Cicer arietinum* L.) genotypes against sodium chloride stress. *Pakistan Journal of Botany* 50(4):1297-1304.
5. Doraki, G. R., Zamani, G. R., and Sayyari, M. H. 2018. Effect of salt stress on yield and yield components in chickpea (*Cicer arietinum* L. cv. Azad). *Iranian Journal Pulses Research* 9(1):57-68. (In Persian with English summary).
6. Gautam, A., Panwar, R. K., Verma, S. K., Arora, A., Gaur, A. K., and Chauhan, C. 2021. Assessment of genetic variability parameters for yield and its components in chickpea (*Cicer arietinum* L.). *Biological Forum—An International Journal* 13(2): 651-655.
7. Hoagland, D. R., and Arnon, D. L. 1950. The water culture method for growing plants without soil. *California Agricultural Experiment Station Circular*. pp. 347.
8. Kaashyap, M., Ford, R., Kudapa, H., Jain, M., Edwards, D., Varshney, R., and Mantri, N. 2018. Differential regulation of genes involved in root morphogenesis and cell wall modification is associated with salinity tolerance in chickpea. *Scientific Reports* 8(1): 1-19.

9. Kaashyap, M., Ford, R., Mann, A., Varshney, R. K., Siddique, K. H., and Mantri, N. 2022. Comparative flower transcriptome network analysis reveals DEGs involved in chickpea reproductive success during salinity. *Plants* 11(3): 434.
10. Kotula, L., Clode, .P. L., Jimenez, J. D. L. C., and Colmer, T. D. 2019. Salinity tolerance in chickpea is associated with the ability to 'exclude' Na from leaf mesophyll cells. *Journal of Experimental Botany* 70(18):4991-5002.
11. Kumar, N., Barmukh, R., Sengar, M. S., Bharadwaj, C., and Varshney, R. K. 2020. Genetic dissection and identification of candidate genes for salinity tolerance using Axiom® CicerSNP array in chickpea. *International Journal of Molecular Sciences* 21(14): 5058.
12. Kumar, N., Bharadwaj, C., Soni, A., Sachdeva, S. U. P. R. I. Y. A., Yadav, M. C., Pal, M. A. D. A. N., and Rana, M. A. N. E. E. T. 2020. Physio-morphological and molecular analysis for salt tolerance in chickpea (*Cicer arietinum* L.). *Indian Journal of Agricultural Sciences* 90(4): 132-136.
13. Kumar, N., Soren, K. R., Bharadwaj, C., PR, S. P., Shrivastava, A. K., Pal, M., and Varshney, R. K. 2021. Genome-wide transcriptome analysis and physiological variation modulates gene regulatory networks acclimating salinity tolerance in chickpea. *Environmental and Experimental Botany* 187: 104478.
14. Lavrenko, N., Lavrenko, S., Revto, O., and Lykhovyd, P. 2018. Effect of tillage and humidification conditions on desalination properties of chickpea (*Cicer arietinum* L.). *Journal of Ecological Engineering* 19(5):70-75.
15. Moustafa, E. S., Ali, M. M., Kamara, M. M., Awad, M. F., Hassanin, A. A., and Mansour, E. 2021. Field screening of wheat advanced lines for salinity tolerance. *Agronomy* 11(2):281.
16. Munns, R., and Tester, M. 2008. Mechanisms of salinity tolerance. *Annual Review of Plant Biology* 59: 651-681.
17. Mushtaq, Z., Faizan, S., Gulzar, B., Mushtaq, H., Bushra, S., Hussain, A., and Hakeem, K. R. 2022. Changes in growth, photosynthetic pigments, cell viability, lipid peroxidation and antioxidant defense system in two varieties of chickpea (*Cicer arietinum* L.) subjected to salinity stress. *Phyton* 91(1): 149.

18. Nabati, J., Kafi, M., Nezami, A., and Boroumand Rezazadeh, A. 2021. Evaluation of salinity tolerance of 140 desi chickpea (*Cicer arietinum*) genotypes. Iranian Journal of Pulses Research 12(1): 220-205. (In Persian with English summary).
19. Nasiri, Z., Nabati, J., Nezami, A., and Kafi, M. 2021. Screening of Kabuli-type chickpea genotypes for salinity tolerance under field condition. Environmental Stresses in Crop Sciences 14(4): 1055-1068. (In Persian with English summary).
20. Pushpavalli, R., Quealy, J., Colmer, T. D., Turner, N. C., Siddique, K. H., Rao, M. V., and Vadez, V. 2016. Salt stress delayed flowering and reduced reproductive success of chickpea (*Cicer arietinum* L.), a response associated with Na⁺ accumulation in leaves. Journal of Agronomy and Crop Science 202(2): 125-138.
21. Rencher, A. C., and Christensen, W. F. 2002. Methods of multivariate analysis. A John Wiley and Sons Inc. Publication.
22. Soren, K. R., Madugula, P., Kumar, N., Barmukh, R., Sengar, M. S., Bharadwaj, C., and Varshney, R. K. 2020. Genetic dissection and identification of candidate genes for salinity tolerance using Axiom® CicerSNP array in chickpea. International Journal of Molecular Sciences 21(14): 5058.
23. Tandon, H. L. S. 1995. Methods of analysis of soils, plants, water and fertilizers. Fertiliser Development and Consultation Organisation, New Delhi.
24. Tsehaye, A., Fikre, A., and Bantayhu, M. 2020. Genetic variability and association analysis of Desi-type chickpea (*Cicer arietinum* L.) advanced lines under potential environment in North Gondar, Ethiopia. Cogent Food and Agriculture 6(1): 1806668.
25. Vaishnani, B., Nathwani, S. A., Baraiya, T., and Panigrahi, J. 2022. Physiological, biochemical, and enzymatic implications of “salt and lead” tolerance in *Cicer arietinum* under hydroponic culture condition. Egyptian Journal of Agricultural Research 100(4): 483-498.
26. Zare Mehrjerdi, M., Nabati, J., Masomi, A., Bagheri, A. R., and Kafi, M. 2011. Evaluation of tolerance to salinity based on root and shoot growth of 11 drought tolerant and sensitive chickpea genotypes at hydroponics conditions. Iranian Journal Pulses Research 2(2): 83-96. (In Persian with English summary).

Screening of chickpea (*Cicer arietinum* L.) genotypes for salinity tolerance at early growth stages

Narges Safaei Ghalehzou¹, Mohammad Kafi^{2*}, Ahmed Nizami³ and Jafar Nabati⁴

1- - Master's student in agronomy, Crop physiology, Department of Agrotechnology, Faculty of Agriculture, Ferdowsi University of Mashhad E-mail: narges.safaei@mail.um.ac.ir Cellular phone: 09158936054

2- Professor, Crop Physiology, Environmental Stresses, Department of Agrotechnology, Faculty of Agriculture, Ferdowsi University of Mashhad

E-mail: m.kafi@um.ac.ir ORCID: 0000000209331346 Cellular phone: 09153066269

3- - Professor, Crop Physiology, Environmental Stresses, Department of Agrotechnology, Faculty of Agriculture, Ferdowsi University of Mashhad ORCID: 0000000E-mail: nezami@um.ac.ir Cellular phone: 09153163348

4- Assistant Professor, Pulse Crop Research Group, Plant Sciences Research Institute, Ferdowsi University of Mashhad

E-mail: Jafarnabati@um.ac.ir ORCID: 0000000304837003 Cellular phone: 09156458109

Introduction

Chickpea is an important source of energy and protein of the Iranian people's diet. Iran is one of the main centers of genetic diversity of this crop. The cultivation of chickpea nowadays is practiced using irrigation or supplemented irrigation in many parts of Iran, as more challenging by climate change, precipitation decline, and salinization of underground water resources. On the other side, there is not enough fresh water to meet the full water requirement of chickpea. Although chickpea is considered as a salt sensitive crop but there are some reports that show some variable reaction to salinity amongst different chickpea genotypes. A collection of cold and drought stress tolerant chickpea genotypes are maintained in Mashhad Chickpea Collection (MCC) in the Plant Science Research Center of Ferdowsi University of Mashhad. Therefore, testing the tolerance of different genotypes and landraces of this crop to salinity stress is of important, and this experiment is arranged to test salinity tolerance of chickpea genotypes in this collection.

Materials and Methods

In order to identify and assess of chickpea genotypes salinity tolerant, seeds of 206 Mashhad Chickpea Collection genotypes were kindly prepared by Plant Science Research Center of Ferdowsi University of Mashhad (FUM). The experiment was carried out in the research green house of Faculty of Agriculture of FUM at the spring of 2021 which light was normal, and temperature and humidity were controlled. A randomized complete block design was used with three replications and each treatment consist of 10 plants for each genotype. Seeds were sown in the shallow trays in the lab at 25 degrees centigrade and emerged seedling were transplanted in the

sand culture medium. Saline water prepared by adding NaCl to tap water till its EC reached to 12 dSm⁻¹. Salinity imposed after a week of transplanting through the Hoagland nutrient solution and continued for four weeks. Nutrient solution was renewed each week and 12 dS m⁻¹ NaCl dissolved in that solution. Measured traits included the height difference at the beginning of the imposing of salt stress and for weeks later, number of branch per plant, survival percentage, and biomass accumulation. Sodium and potassium content of shoots. Data were analyzed using Minitab for windows 17 and standard error and cluster analysis arranged using JMP4 software.

Results and Discussion

The results showed that 31 genotypes have a survival rate of 76-100% which 10 genotypes showed survival rate of 100%. Plant height, biomass, and number of lateral branches per plant decreased as survival rate decreased. Significant increase in shoot Na⁺ concentration was only found in survival range of 0-25% while the shoot sodium content was the lowest in in group of 57-100% survival compared to the other three groups. Biomass accumulation also reduced more rapidly in low survival group (0-25%) compare with 76-100% survival group by 66%. The correlation analysis showed that survival rate, plant height and number of lateral branches per plant, biomass, plant height difference and shoot K⁺ concentration showed significantly positive correlation. Based on factor analysis, three factors were selected that in total 79% of the total variation was explained. The first and second factors were explained high percent of variation that include survival rate and plant height and number of lateral branches per plant, biomass, plant height difference and Na⁺ concentration. Genotypes MCC1782, MCC197 ,MCC1703 ,MCC1568, MCC1573, MCC1737, MCC1209, MCC1516, MCC1493, MCC1832, MCC1957, MCC1721, MCC2016, MCC1704, MCC1641, MCC1815, MCC1775,MCC178, MCC1754, MCC1627, MCC1716, MCC1918, MCC1827 ,were selected as the superior genotype under salinity stress of 12 dSm⁻¹ for four weeks. According to the result of cluster analysis, the genotypes were classified in four clusters. The genotypes of the third and fourth clusters had a high average salinity tolerance compared to other clusters with the investigated traits.

Conclusion

Although chickpea is not a salt tolerance crop observed variation among genotype of this plant showed that more work is needed to screen the salt tolerant genotypes and landrace of chickpea for breeding programs. It should be acknowledged that this work has been done in a controlled environment for just a few weeks of salinity treatment. Therefore, we suggest that a more comprehensive experiment could be arrange with those genotypes that showed better performance in survival rate, biomass accumulation, low shoot sodium content and high potassium content.

Keywords: Biomass; Cluster analysis; Factor analysis; Sodium; Survival percentage